# LABOKLIN

LABORATORIO DE DIAGNÓSTICO CLÍNICO VETERINARIO

LABOKLIN S.L. , Avenida de la Industria 4 , 28108 Alcobendas

CV Nexo Pego
A[redacted]
Paseo Reina Sofía 11 bajo
03780 Pego (Alicante)
España

| | |
|---|---|
| **Resultado Nr.:** | **2303-M-05669** |
| Fecha de entrada: | 16.03.2023 |
| Fecha de informe: | 24.03.2023 |
| Inicio de análisis: | 16.03.2023 |
| Fin de análisis: | 24.03.2023 |
| Estato del informe: | Informe final |

| | |
|---|---|
| Especie: | Perro |
| Raza: | Rhodesian Ridgeback |
| Sexo: | desconocido |
| Nombre: | SAIMON'S PRAIDE BRIGHT FIRST IMPRESSION |
| Microchip: | 972274000511061 |
| Edad / Fecha de nacimiento: | 06.05.19 |
| Material: | EB(x4) |
| Fecha: | 06.08.2020 |
| Propietario: | Gil Miralles, Mónica |
| Código paciente: | --- |

**Solicitud posterior el día 16.03.2023 del número de informe 2008M15684** Llegada de la muestra el día: ---

## Ventrikuläre Arrhythmie (IVA)

| Parámetro | Resultado |
|---|---|
| Nombre: | **SAIMON'S PRAIDE BRIGHT FIRST IMPRESSION** |
| Nr. Pedigree: | **---** |
| Nr. Chip: | **972274000511061** |
| Nr. Tatuaje: | **---** |

## Ventricular arrhythmia (IVA) - PCR

Result: Genotype N/N

Interpretation: The examined animal is homozygous for the wildtype-allele. It does not carry the-risk factor for IVA in the QIL1-gene.

Trait of inheritance: variable penetrance

Scientific studies found correlation between the mutation and symptoms of the disease in the following breeds:
Rhodesian Ridgeback

## Explicación de la heredabilidad:

Esta enfermedad se considera piligénica.
El desarrollo de la enfermedad está influenciado por varios cambios genéticos.
La variante genética descrita no es por tanto la única causa de los signos clínicos, ya que solo afecta a una parte del complejo desarrollo de la enfermedad. Los animales afectados tienen un elevado riesgo de desarrollar la enfermedad, pero no siempre desarrollan signos clínicos a lo largo de sus vidas.



Escaneado con CamScanner

LABOKLIN
LABORATORIO DE DIAGNÓSTICO CLÍNICO VETERINARIO

Laboratorio Veterinario Laboklin, S.L.
Avenida de la Industria 4, Edif 3, Portal A, 1A
ES-28108 Alcobendas

CV Nexo Pego
A[redacted]
Paseo Reina Sofía 11 bajo
03780 Pego (Alicante)
Espana

**Resultado**
N°.: 2008-M-15684
Fecha de entrada: 11-08-2020
Fecha de salida: 13-08-2020

| | |
|---|---|
| Datos del paciente: | Perro desconocido * 06.05.19 Rhodesian Ridgeback |
| Dueño del animal: | Gil Miralles, Mónica |
| Tipo de muestra: | EB(x4) |
| Toma de la muestra: | 06-08-2020 |

Nombre: **SAIMON'S PRAIDE BRIGHT FIRST IMPRESSION**
Nr. Pedigree: **---**
Nr. Chip: **972274000511061**
Nr. Tatuaje: **---**

## Mielopatía degenerativa - PCR

Resultado: Genotipo N/N (exón 2)

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el exón 2 del gen SOD1 considerada como factor de alto riesgo de DM.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Nota: en el boyero de Berna está descrita otra mutación en el exón 1 del gen SOD1 relacionada también con DM.

## Hemophilia B (Faktor IX) - PCR

Resultado: Genotipo hembra X(N)/X(N), macho X(N)/Y

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutaci≤n en el gen FIX responsable de

LABOKLIN
LABORATORIO DE DIAGNÓSTICO CLÍNICO VETERINARIO

hemofilia B.

Heredabilidad: ligada a cromosoma X-recesiva

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las razas: Rhodesian ridgeback.

**Juvenile Myoclonic Epilepsy (JME)**

Resultado: genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No porta la mutación en el gen DIRAS1 responsable de JME.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Se ha descrito una correlación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Rhodesian ridgeback

**D-Locus (Dilución, Aclarados del color) - PCR**

Resultado: Genotipo D/D

Interpretación: El animal examinado no es portador del alelo d1. Si no es portador de otras variantes del locus d, el animal es homocigoto para el alelo D.

El test detecta los alelos D y d1
Serie alélica: D es dominante sobre d1

Anotación: Existen otras variantes del locus d que deben ser evaluadas para establecer por completo las caracterΦsticas de la dilución.

Tenga en cuenta:

En las siguientes razas se ha detectado otra mutación responsable de la dilución del color de pelo: Chow Chow, Sloughi y Tailandia Ridgeback.
No se excluye que esta mutación en otras razas sea común.

**B-Lokus (braun, chocolate, liver(nose))**

El análisis genético del B - locus detecta las cuatro variantes

recesivas: bd, bc, bs y b4 que han sido descritas como responsables del color de capa marrón en el perro. El alelo B es dominante frente a los demás.

**Variant bd**

Resultado para bd: Genotipo B/B
Interpretación: No se ha encontrado el alelo bd en esta muestra.

**Variant bc**

Resultado para bc: Genotipo B/B
Interpretación: No se ha encontrado el alelo bc en esta muestra

**Variant bs**

Resultado para bs: Genotipo B/bs
Interpretación: Se ha encontrado un alelo bs en esta muestra.

El animal es heterocigoto para la mutación responsable de esta variante.

**Variant b4**

Resultado para b4: Genotipo B/B
Interpretación: No se ha encontrado el alelo b4 en esta muestra.

Variantes del alelo B: el alelo B es dominante sobre los alelos bd, bc, bs y b4

Si el animal es homocigoto para alguna de las variantes responsables de la mutación, el pigmento negro (eumelanina) se diluye y el animal muestra la capa marrón en aquellas zonas donde la capa debería ser oscura o negra en origen.

Si el animal es heterocigoto para alguna de las variantes responsables de la mutación, no es posible determinar en qué grado influirá sobre la eumelanina. La capa oscura o negra en origen podría ser de color negra o marrón.

Se estima que existen más variantes genéticas responsables del color de capa marrón en el bulldog francés, Yorkshire terrier y otras razas pequeñas similares. Estas variantes todavía no pueden ser testadas.

Resultado N°.: 2008-M-15684

LABOKLIN
LABORATORIO DE DIAGNÓSTICO CLÍNICO VETERINARIO

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantias a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2005 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

Costes mensajería

*** Fin del resultado ***

F[redacted]
Veterinario