

LABOKLIN S.L., Avenida de la Industria 4, 28108 Alcobendas

CV Nexo Pego

Paseo Reina Sofía 11 bajo  
03780 Pego (Alicante)  
España

**Resultado Nr.: 2311-M-26743**

Fecha de entrada: 30.11.2023  
Fecha de informe: 04.12.2023  
Inicio de análisis: 30.11.2023  
Fin de análisis:  
Estado del informe: Informe parcial

|                             |                              |
|-----------------------------|------------------------------|
| Especie:                    | Perro                        |
| Raza:                       | Rhodesian Ridgeback          |
| Sexo:                       | Hembra                       |
| Nombre:                     | MANNA ABI TERRA DAKOTA ASTRA |
| LOE/Pedigree:               | LOE 2630464                  |
| Microchip:                  | 643099000865599              |
| Edad / Fecha de nacimiento: | 25.09.2021                   |
| Material:                   | Sangre                       |
| Fecha:                      | 28.11.2023                   |
| Propietario:                | Gil Miralles, Mónica         |
| Código paciente:            | ---                          |

## **Combination Rhodesian Ridgeback**

| Parámetro     | Resultado                           |
|---------------|-------------------------------------|
| Nombre:       | <b>MANNA ABI TERRA DAKOTA ASTRA</b> |
| Nr. Pedigree: | <b>LOE 2630464</b>                  |
| Nr. Chip:     | <b>643099000865599</b>              |
| Nr. Tatuaje:  | ---                                 |

## **Mielopatía degenerativa - PCR**

Resultado: Genotipo N/N (exón 2)

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el exón 2 del gen SOD1 considerada como factor de alto riesgo de DM.

Heredabilidad: autosómica-recesiva.

Nota: en el bojero de Berna está descrita otra mutación en el exón 1 del gen SOD1 relacionada también con DM.

## **Hemofilia B (Faktor IX) - PCR**

Resultado: Genotipo hembra X(N)/X(N), macho X(N)/Y

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No presenta la mutación en el gen FIX responsable de hemofilia B.

Heredabilidad: ligada a cromosoma X-recesiva

Estudios científicos han encontrado relación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las razas: Rhodesian ridgeback.

### **Juvenile Myoclonic Epilepsy (JME)**

Resultado: genotipo N/N

Interpretación: el animal examinado es homocigoto para el alelo salvaje. No porta la mutación en el gen DIRAS1 responsable de JME.

Heredabilidad: autosómica recesiva

Se ha descrito una correlación entre esta mutación y los síntomas de la enfermedad en las siguientes razas: Rhodesian ridgeback

### **D-Locus (Dilución, Aclarados del color) - PCR**

Resultado para d1: Genotipo N/d1 (anteriormente D/d1)

Interpretación: Se ha encontrado un alelo d1 en esta muestra. El animal es heterocigoto para esta variante.

El genotipo global del complejo del locus D solo puede deducirse si se analizan todas las variantes conocidas del locus D (d1, d2 y d3). Algunos de estos alelos solo existen en razas específicas.

Nota: La nomenclatura de los resultados se ha modificado para estandarizarse junto al resto de pruebas genéticas.

### **B-Locus (marrón, chocolate, hígado)**

Este análisis genético del B- locus incluye las tres variantes bd, bc y bs descritas hasta ahora para todas las razas, así como el alelo salvaje N.

#### **Variant bd**

Resultado para bd: Genotipo N/N (anteriormente B/B) Interpretación: No se ha encontrado el alelo bd en esta muestra.

#### **Variant bc**

Resultado para bc: Genotipo N/N (anteriormente B/B)

Interpretación: No se ha encontrado el alelo bc en esta muestra.

#### **Variant bs**

Resultado para bs: Genotipo N/N (anteriormente B/B)

Interpretación: No se ha encontrado el alelo bs en esta muestra.

Cuando una de las variantes es homocigota, el pigmento oscuro (eumelanina) cambia de color en consecuencia. Cuando varias variantes del locus B se encuentran en estado heterocigoto, no es posible determinar directamente la influencia sobre la eumelanina.

El genotipo global del complejo del B-locus solo puede deducirse a partir todas las variantes conocidas del B-locus (bd, bc, bs, b4 y be). Algunos de estos alelos solo existen en razas específicas.

Nota: La nomenclatura de los resultados se ha modificado para estandarizarse junto al resto de pruebas genéticas.

Parámetro

Resultado

**Sordera hereditaria (EOAD)- PCR**

Resultado: Genotipo pendiente

El resultado es válido sólo para el material recibido en el laboratorio. La responsabilidad acerca de la veracidad de los datos aportados corresponde al remitente. No se ofrecen garantías a este respecto. La garantía de compensación se limita legalmente al valor de la factura de los análisis realizados.

No se pueden excluir otras alteraciones genéticas que puedan influir en la expresión de la enfermedad o los criterios. Los análisis se realizan de acuerdo con los conocimientos científicos en ese momento.

El laboratorio está acreditado para realizar los análisis que corresponden a este resultado según la norma DIN EN ISO/IEC 17025:2018 (Excepto test realizados en laboratorios colaboradores).

Estos resultados se basan en el material de muestra enviado a nuestro laboratorio. Este material es adecuado salvo que se indique lo contrario. El remitente es responsable de la exactitud de la información relativa a la muestra. Este informe solo puede transmitirse íntegramente y sin cambios. Hacer lo contrario requiere el permiso por escrito de Laboratorio Veterinario Laboklin S.L.

██████████ - Veterinaria

**\*\*\* FIN del informe \*\*\***

Laboklin App